

Gene Detail

遺伝子の関連情報を検索、詳細情報へリンク	
Query	
Keyword	遺伝子名
Output	
タブ名	解説
Summary	Gene の Summary PubMed 共起文献のテキストマイニングによる関連情報のランキング 外部データソース(Database Reference)へのリンク
Annotation	Synonym, mRNA, Ortholog, Gene Ontology, OMIM <ul style="list-style-type: none"> ✓ Synonym タブでは Gene Symbol/Gene Name/タームごとの文献数 がテーブルとして出力されます。 ✓ mRNA タブでは当該 Gene に関連する mRNA が Accession/Description/Link がテーブルとして出力されます。 ✓ Ortholog タブでは当該 Gene の Ortholog が表示されます。 ✓ Gene Ontology タブでは当該 Gene の Gene Ontology が表示されます。 ✓ OMIM タブでは 当該 Gene の関連 OMIM 情報が表示されます。
Protein	Protein 情報(UniProt RefSeq)の表示と詳細情報へのリンク <ul style="list-style-type: none"> ✓ 当該遺伝子の Protein 情報が UniProt RefSeq 別に 表示されます。
Disease	OMIM/MedGen/HPO (Human Phenotype Ontology) /Gene Expression/ GeneRIF//GeneRIF(Associations)/SNP(rsID)/ 文献数 (3 つ の レベル) /Homonym 数 /Pathway/Therapeutic Target/Max Phase/Disease Summary 中の Gene の記載/Confidence Score <ul style="list-style-type: none"> ✓ 当該遺伝子の関連性に基づいて、疾患がランキングされてテーブル出力されます。 その要素は、OMIM/MedGen/HPO (Human Phenotype Ontology) /Gene Expression/ GeneRIF/SNP(rsID)/ 文献数 (3 つ の レベル) /Pathway/Therapeutic Target/Max Phase/Confidence Score で Confidence Score により ランキングされます。
Chemical	LSKBChemID/ 構造 / 分子量 / Molecule Type / Active in Assay / Chemical Probe / Putative Target / Putative Target2 / GeneExpression / MoA / ATC Class / Withdrawn / 文献数 / Homonym 数 <ul style="list-style-type: none"> ✓ 当該遺伝子関連の化合物を LSKBChemID/構造/分子量/Molecule Type/Active in Assay/Chemical Probe/Putative Target/Putative Target2/GeneExpression/MoA/ATC Class/Withdrawn/ 文献数 /Homonym 数のテーブルで出力されます。 ✓ 各項目で Filter が可能です。

PDB	<p>結晶構造 (PDB) が表示されます。PDB ID/Title/Ligand/Source/Resolution と詳細情報へのリンク</p> <ul style="list-style-type: none"> ✓ PDB タブでは当該遺伝子に紐づくタンパク質の結晶構造 (PDB) が表示されます。PDB ID/Title/Ligand/Source/Resolution のテーブルで纏められ、PDB ID をクリックすると 当該 PDB の詳細情報ページ、ファイルの出力、関係サイトへの PDB 関連リンクがあります。 ✓ PDB 関連リンク <ul style="list-style-type: none"> Details: PDB Details ページへ Link to PDB: Protein Data Bank (外部) の Web サイトへ Download PDB File: 当該 PDB ファイルのダウンロード Link to Binding DB: PDB Entry に 紐づく Binding DB サイトへ Search UniProt Entry > LSKB: Go To MOE: CCG 社の MOE により この PDB ファイルが開きます。 ※ MOE のライセンスと svl による LSKB との連携設定が必要です。
Pathway	<p>NCBI Biosystems からの ID/ DataSource/Name/ Descriptio/Organism/Taxonomy ID/ 各要素、Gene/Chemical/Protein/PubMed の数とリンクの表示</p> <ul style="list-style-type: none"> ✓ 関連 Pathway がテーブル形式で表示され、NCBI の Biosystems への ID/ DataSource/Name/ Description/Organism/Taxonomy ID/ 各要素 (Gene/Chemical/Protein/PubMed) の数がテーブル形式で表示されます。 ✓ Tissue Expression タブでは 当該遺伝子の標準発現組織の情報が、Graph と Spreadsheet を切り替えて見られます。Graph は クラス別の組織がグラフ化され、当社で解析した標準組織別の発現データと RefEx が色分けされています。Spreadsheet ボタンを押すと発現が多い組織の順番 (MaxRank) でテーブル表示されます。テーブルには Tissue/UniProt Comment/MaxValue/MaxRan/Graph/Gene Expression/3レベルのテキストマイニング/MeSH Tree が表示されます。また、Graph 表示で 組織クラスをクリックすると、そのクラスに含まれる組織に絞ってテーブル形式で表示されます。
Tissue Expression	<p>標準発現組織の情報の表示 標準組織別の発現データと RefEx をグラフ表示 Tissue/UniProt Comment/MaxValue/MaxRan/Graph/Gene Expression/3レベルのテキストマイニング/MeSH Tree を詳細のテーブル表示</p>
Assay	<p>Assay 情報の表示 Type/Act Outcome Method/Title/Protein/Relationship Typ/Confidence Score/BAO Format/Activities 数/化合物数/Details へのリンク</p> <ul style="list-style-type: none"> ✓ 当該遺伝子ターゲットにする Assay 情報がテーブル形式で表示されます。テーブルには Assay Type/Act Outcome Method/Title/Protein/Relationship Typ/Confidence Score/BAO Format/Activities 数/化合物数/Details へのリンク が纏まっています。



Activities	<p>化合物とその活性値情報の表示</p> <p>LSKB Chemical (構造) /Target/Activity Status/Activity Type/Relation/Value/Units/pACT/Assay Value/Assay Type/Act Outcome Method/Title/PubMed/Comment</p> <p>✓ Activities タブでは、Assay に付された化合物とその活性値情報をテーブル形式で纏めています。LSKB Chemical (構造) /Target/Activity Status/Activity Type/ Relation/Value/Units/pACT/Assay Value/Assay Type/Act Outcome Method/Title/PubMed/Comment が、纏っています。</p>
Gene Expression	<p>変動した遺伝子として含まれる発現実験(GEO/GDS Expression Atlas)のリスト</p> <p>✓ 当該遺伝子が増動した遺伝子として含まれる発現実験(GEO/GDS Expression Atlas)がテーブル表示されます。ID/Title/Description/Organism/Chemical/Disease/Tissues/Detail へのリンクが纏まっています。</p>